

## RESUMEN

La utilización de modelos biológicos pueden constituir un apoyo de enorme utilidad en el diseño de nuevos agentes terapéuticos.

Resulta indispensable para tal propósito, el contar con modelos rigurosamente calibrados, que presenten sensibilidad, rapidez y confiabilidad.

Particularmente, en este trabajo se presenta la calibración y desarrollo de modelos "in vitro" e "in vivo", utilizando distintos helmintos. Ellos son : *Nippostrongylus brasiliensis* (Nematoda: Trichostrongylidae) y *Mesocestoides corti* y *Taenia crassiceps* (Cestoda: Cyclophyllidea).

El uso de tales modelos ha permitido numerosas aplicaciones, dentro de un marco de acción multidisciplinaria que llevó a la detección, selección y seguimiento de nuevos metabolitos secundarios bioactivos de fuentes de origen natural.

Por otro lado, fueron posibles estudios de relación- estructura -actividad , con diseños racionales de derivados apropiados dentro de distintas familias de análogos sintéticos. Esto permitió acercarse por simplificación estructural al farmacóforo responsable de tal actividad.

También se han desarrollado, distintas estrategias que hacen uso del conocimiento del ciclo del parásito dentro del hospedador, en modelos "in vivo" con animales de laboratorio. Esto permitió no solo evaluar la actividad "in vivo", sino sino también elaborar una serie de hipótesis tendientes a encarar racionalmente el estudio farmacocinético de los nuevos agentes.

En resumen la presente tesis permitió demostrar la enorme utilidad de nuevos modelos biológicos como herramienta en la búsqueda y diseño racional de nuevos agentes antihelmínticos.